



INSTITUT FÜR ANGEWANDTE LABORANALYSEN GMBH

QuickGEN PCR Kit

Yeast Differentiation

- white -

Real-time PCR Differenzierung bierschädlicher Hefen

real-time PCR differentiation of beer spoilage yeast

REF: Q543

Version 01/20

GEN-IAL GmbH
Tel: 0049 2241 2522980
Fax: 0049 2241 2522989
info@gen-ial.de
www.gen-ial.de

QuickGEN PCR Kit

Hefe Differenzierung

1. Verwendungszweck

Differenzierung von bierschädlichen Hefen in Bier und Biermischgetränken.
Folgende Hefen werden differenziert:

Saccharomyces exiguus

Saccharomyces cerevisiae var. *diastaticus*

Saccharomyces bayanus / *pastorianus*

Saccharomyces ludwigii

Torulaspora delbrückii

Kluyveromyces marxianus

Debaromyces hansenii

<i>Dekkera</i> spp. :	<i>D. anomala</i>
	<i>D. custersiana</i>
	<i>D. bruxellensis</i>
	<i>D. naardenensis</i>
	<i>D. nanus</i>
<i>Rhodotorula</i> spp. :	<i>R. mucilaginosa</i>
	<i>R. glutinis</i>
	<i>R. graminis</i>
	<i>R. toruloides</i>
	<i>R. bacarum</i>
<i>Candida</i> spp. :	<i>C. albicans</i>
	<i>C. parapsilosis</i>
	<i>C. glabrata</i>
	<i>C. tropicalis</i>
	<i>C. sake</i>
	<i>C. intermedia</i>
	<i>C. pulcherrima</i>
<i>Pichia</i> spp. :	<i>P. anomala</i>
	<i>P. fermentans</i>
	<i>P. membranaefaciens</i>
<i>Hanseniaspora</i> spp. :	<i>H. guillermondii</i>
	<i>H. uvarum</i>
	<i>H. osmophila</i>

2. Testprinzip

Die Detektion erfolgt mittels Fluoreszenzmessung durch das Hydrolysesondenformat (TaqMan®). Durch hot-start-PCR plus doppelt markierten sequenzspezifischen Sonden (FAM/DQ, HEX/DQ), wird bei korrekter Hybridisierung an die Zielsequenz in der Extension-Phase ein messbares Fluoreszenzsignal definierter Wellenlänge emittiert. Eine Inhibitionskontrolle (HEX/DQ) wird zusammen mit der spezifischen Sequenz in einem Tube amplifiziert, um falsch negative Ergebnisse durch Inhibition auszuschließen. Die PCR-Systeme enthalten dUTP, welches bei der Elongation zum Teil das dTTP ersetzt. Die Verwendung von Uracil-N-Glycosylase (UNG) eliminiert alle dUMP enthaltenden Amplikons, die aus eventuellen Kontaminationen früherer PCRs stammen könnten. (Das UNG Enzym ist in diesem Kit nicht enthalten).
In den tubes ist die Lyticase bereits enthalten.

3. Packungsinhalt

Mit den Reagenzien können 96 Bestimmungen (12 Proben) durchgeführt werden:

1 x Premix	weißer Deckel
12 x Dye Strips (lyophilisiert, tubes enthalten Lyticase)	tube strips
12 x Cap Strips	
1 x ddH ₂ O (für PCR-Negativkontrollen)	farbloser Deckel

4. Lagerung

Die lyophilisierten Dye Strips nicht einfrieren.

Die PCR-Reagenzien bei 2 – 8 °C, den Premix nach Anbruch bei -20 °C lagern.

Wiederholtes Auftauen und Einfrieren (> 3x) sollte vermieden werden, da dadurch die Sensitivität verringert wird. Bei unregelmäßigem Gebrauch sollte deshalb der Premix aliquotiert werden.

Die Dye Strips enthalten die fluoreszenzmarkierten Sonden und sind lichtempfindlich. Aus diesem Grund sollten sie nicht unnötigem Lichteinfall ausgesetzt werden.

Alle Reagenzien sind bei korrekter Lagerung 12 Monate haltbar.

5. Zusätzlich erforderliches Material

5.1. Geräte

Real-time PCR Gerät für low profile PCR tubes

Zentrifuge für tube strips

Pipetten

„Vortex“

5.2 Reagenzien und Verbrauchsmaterialien

steriles, doppelt-destilliertes oder deionisiertes Wasser (ddH₂O)

passende, sterile Filterspitzen (Filtertips)

optional: Uracil N-Glycosylase (0,01 U/μL PCR-Reaktion)

6. PCR

6.1. PCR-Ansatz

Premix vor Gebrauch gut mischen und ggf. kurz abzentrifugieren. Die Folie von den benötigten tube strips entfernen und die PCR-Komponenten pipettieren. Nach dem Pipettieren die tube strips mit den mitgelieferten cap strips verschließen.

PCR-Ansatz pro Probe:

PCR-Komponenten	Menge (μL)
Premix	17,5
Proben-DNA	2,5
Gesamtvolumen	20,0

Pipettierschema:

Tube 1*	Premix 17,5 μL	ddH₂O 2,5 μL, <u>Achtung:</u> keine Proben-DNA pipettieren
Tube 2*	Premix 17,5 μL	Proben-DNA 2,5 μL
Tube 3*	Premix 17,5 μL	Proben-DNA 2,5 μL
Tube 4*	Premix 17,5 μL	Proben-DNA 2,5 μL
Tube 5*	Premix 17,5 μL	Proben-DNA 2,5 μL
Tube 6*	Premix 17,5 μL	Proben-DNA 2,5 μL
Tube 7*	Premix 17,5 μL	Proben-DNA 2,5 μL
Tube 8*	Premix 17,5 μL	Proben-DNA 2,5 μL

* auf die Orientierung der Tubes achten. Vor Tube 1 befindet sich auf dem strip ein A und hinter Tube 8 ein H.

6.2 PCR-Programm

6.2.1 Programmierung und PCR-Programm für LC480:

1. Im Fenster **LightCycler 480 Software release 1.5.0. SP1** das Werkzeugsymbol: Schraubenschlüssel in der rechten Leiste anklicken
2. Auf der linken Seite den Button **Detection formats** anklicken
3. Im Fenster **Detection formats New** anklicken und dem Experiment einen Namen geben
4. Im Fenster **Filter Combination Selection** die folgenden Filterkombinationen ankreuzen: 465-510 / 533-580
5. Im Fenster **Selected Filter Combination** in der Liste folgende Werte eingeben:

Excitation Filter	Emission Filter	Name	Melt factor	Quant factor	Max. Integ. Time
465	510	465-510 FAM	1	10	2
533	580	533-580 HEX	1	10	2

6. Schließen des Fensters durch Anklicken des Buttons **Close**
7. Auf der rechten Seite Button **New Experiment** anklicken
8. Aus dem pull-down Menü der Leiste **Detection formats** das entsprechende Experiment auswählen, den Button **Customize** anklicken und die Detektionsformate überprüfen. Alle müssen aktiviert sein.
9. Klicken des **OK** buttons
10. Folgendes Programm schreiben:

Programm Name: **Heat**

Cycles **1** Analysis Mode **None**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
37	None	00:15:00	4.40		0	0	0
95	None	00:15:00	4.40		0	0	0

2. Programm Name: **Ampli**

Cycles **30*-35** Analysis Mode **Quantification**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
95	None	00:00:15	4.40		0	0	0
63	Single	00:00:20	2.20		0	0	0

* für vorangereicherte Proben 30 Zyklen programmieren

3. Programm Name : **Cool**

Cycles **1** Analysis Mode **None**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
40	None	00:00:20	2.20		0	0	0

Optional: Einspeichern des Programms als **run template**:

Unten links den Haken neben dem Button **Apply Template** anklicken und **Save as template** abspeichern, Lauf in den **template Ordner** speichern

Für spätere Wiederholungen steht das Programm nun im **New Experiment from template** zur Verfügung.

11. Links den Button **Subset editor** anklicken

12. Den Button **+** anklicken und **New Subset 1** erscheint

13. Mit der Strg Taste die entsprechenden wells im **New Subset 1 Settings** Fenster anklicken

14. Den Button **Apply** anklicken

15. In der linken Leiste den Button **Sample editor** anklicken

16. **Ganz wichtig:** Oben in der Leiste **Step 1 Select Workflow: Abs.Quant** ankreuzen

17. In der Leiste **Step 2 Select Samples** das Subset **New Subset** auswählen

18. Proben in der Tabelle eingeben

19. In der linken Leiste den Button **Experiment** anklicken und mit **Start run** den Lauf starten

7. Auswertung

Die Auswertung wird entsprechend der für das real-time PCR-Gerät verwendeten Software durchgeführt (siehe Herstellerangaben).

LC480: Vor der Auswertung die Colour Compensation aktivieren

Die in der Tabelle angegebene Negativkontrolle (NTC, Tube 1) muss negativ im Kanal FAM und positiv im Kanal HEX (Inhibitionskontrolle) sein. Ist die Inhibitionskontrolle im HEX-Kanal negativ und/oder das Ergebnis im FAM-Kanal positiv, muss die PCR wiederholt werden.

Die in der Tabelle angegebene Inhibitionskontrolle der Probe (Tube 7) muss im HEX-Kanal positiv sein. Ist die Inhibitionskontrolle im HEX-Kanal negativ, deutet dies auf inhibitorische Komponenten oder einer zu hohen DNA-Menge im Reaktionsansatz hin.

Die in der Tabelle angegebene Positivkontrolle (Tube 8) muss im HEX-Kanal positiv sein. Ist sie im HEX-Kanal negativ, muss die PCR wiederholt werden.

PCR-Auswertung:

auf die Orientierung der Tubes achten. Vor Tube 1 befindet sich auf dem strip ein A und hinter Tube 8 ein H.

	Kanäle	Spezies	Signal
Tube 1	FAM HEX	NTC Inhibitionskontrolle	negativ positiv
Tube 2	FAM HEX	Rhodotorula spp. Saccharomyces exiguus	
Tube 3	FAM HEX	Candida spp. Saccharomyces cerevisiae var. diastaticus	
Tube 4	FAM HEX	Saccharomycodes ludwigii Debaromyces hansenii	
Tube 5	FAM HEX	Torulaspota delbrückii Saccharomyces bayanus / pastorianus	
Tube 6	FAM HEX	Kluyveromyces marxianus Hanseniaspora spp.	
Tube 7	FAM HEX	Dekkera spp. Inhibitionskontrolle	positiv
Tube 8	FAM HEX	Pichia spp. PTC	positiv

Beispiel zur Auswertung:

Probe zeigt positives FAM-Signal in Tube 3, dann handelt es sich um *Candida spp.*.
Bei Mischungen können positive Signale in den entsprechenden Kanälen vorliegen.

Diese Angaben entsprechen dem heutigen Stand unserer Kenntnisse und sollen über unsere Produkte und deren Anwendungsmöglichkeiten informieren. Sie haben nicht die Bedeutung, bestimmte Eigenschaften der Produkte oder deren Eignung für einen konkreten Einsatzzweck zuzusichern. GEN-IAL übernimmt keine Gewährleistung, außer für die standardisierte Qualität der Reagenzien. Defekte Produkte werden ersetzt. Darüber hinaus gehende Ansprüche für direkte oder indirekte Schäden oder Kosten aus der Nutzung der Produkte entstehen nicht.

Rechtlicher Hinweis: Die Polymerase-Kettenreaktion (PCR) ist patentrechtlich geschützt und somit lizenzpflichtig. Sie ist im Besitz der Hoffman-La Roche Inc. Diese Produktinformation versteht sich nicht als Autorisierung oder Lizenzierung, die PCR-Methode kommerziell anzuwenden.

QuickGEN PCR Kit

Yeast Differentiation

1. Intended use

Differentiation of beer spoilage yeasts in beer and beer mixing drinks.

The following yeast are differentiated:

Saccharomyces exiguus

Saccharomyces cerevisiae var. *diastaticus*

Saccharomyces bayanus / *pastorianus*

Saccharomyces ludwigii

Torulospira delbrückii

Kluyveromyces marxianus

Debaromyces hansenii

Dekkera spp. : *D. anomala*
 D. custersiana
 D. bruxellensis
 D. naardenensis
 D. nanus

Rhodotorula spp. : *R. mucilaginoso*
 R. glutinis
 R. graminis
 R. toruloides
 R. bacarum

Candida spp. : *C. albicans*
 C. parapsilosis
 C. glabrata
 C. tropicalis
 C. sake
 C. intermedia
 C. pulcherrima

Pichia spp. : *P. anomala*
 P. fermentans
 P. membranaefaciens

Hanseniaspora spp. : *H. guillermondii*
 H. uvarum
 H. osmophila

2. Test principle

The TaqMan[®] real-time PCR is based on hot-start-PCR and sequence-specific dual labelled probes (FAM/DQ; HEX/DQ) which, when accurately hybridised, emit a measurable fluorescent signal of a defined wavelength in the extension phase. The increase of signal is continuously measured in a real-time PCR detection instrument.

To avoid false negative PCR-results an Inhibition Control is amplified together in one tube with the specific sequence. The system contains dUTP. Optional: the use of Uracil-N-Glycosylase will eliminate any contamination with Uracil containing amplicons from former PCRs (the enzyme is not part of this kit). **The tubes contain lyticase.**

3. Kit contents

The kit contains sufficient reagents for 96 PCR reactions (12 samples):

1 x Premix	white cap
12 x Dye Strips (freeze-dried, tubes contain lyticase)	tube strips
12 x Cap Strips	
1 x ddH ₂ O (for PCR negative controls)	colourless cap

4. Storage conditions

Do **not** freeze the lyophilized Dye Strips.

The PCR reagents should be stored at 2 - 8 °C (35 – 46 °F). Keep Premix for storage at - 20 °C (- 4 °F) after opening. Avoid loss of sensitivity by repeating freezing and thawing more than 3 times. For irregular use aliquot the Premix.

The Dye Strips contain the fluorescent labelled probes and should be handled light protected.

All reagents are stable for 12 months, if they are stored correctly.

5. Materials required, but not provided

5.1. Instruments

Real-time PCR instrument for low profile tubes

Centrifuge for tube strips

Pipettes

“Vortex”

5.2. Reagents and plastic ware

sterile ddH₂O

sterile filter tips

optional: Uracil N-Glycosylase (0.01 U/μL added to the PCR reaction mix)

6. PCR

6.1. PCR-Setup

Before every use thoroughly mix Premix and centrifuge briefly. Remove the film from the needed tube strips and pipette the PCR-Components. After pipetting close the tube strips with the provided cap strips.

PCR-reaction setup:

PCR-Components	Volume (µL)
Premix	17.5
Sample-DNA	2.5
Total volume	20.0

Pipetting scheme:

Tube 1*	Premix 17.5 µL	ddH₂O 2.5 µL <u>Attention:</u> pipette no sample-DNA
Tube 2*	Premix 17.5 µL	sample-DNA 2.5 µL
Tube 3*	Premix 17.5 µL	sample-DNA 2.5 µL
Tube 4*	Premix 17.5 µL	sample-DNA 2.5 µL
Tube 5*	Premix 17.5 µL	sample-DNA 2.5 µL
Tube 6*	Premix 17.5 µL	sample-DNA 2.5 µL
Tube 7*	Premix 17.5 µL	sample-DNA 2.5 µL
Tube 8*	Premix 17.5 µL	sample-DNA 2.5 µL

* please notice the orientation of the tubes. They are marked on the strip at Tube 1 with an A and at Tube 8 with an H

6.2 PCR-Program

6.2.1 PCR Program LC480

1. Click the button **tool** on the right side in the window **LightCycler 480 Software release 1.5.0. SP1**
2. Click the button **Detection formats** at the left side of the menu bar
3. Click **New** in the window **Detection formats** and name the experiment
4. Open the window **Filter Combination Selection** and choose the following filter combinations: 465-510 / 533-580
5. Open the window **Selected Filter Combination** list and add the following amounts

Excitation Filter	Emission Filter	Name	Melt factor	Quant factor	Max. Integ. Time
465	510	465-510 FAM	1	10	2
533	580	533-580 HEX	1	10	2

6. **Close** the window
7. Click the button **New Experiment** on the right side of the menu bar
8. From the pull-down menu **Detection formats** choose the defined experiment, click the button **Customize** and check the detection formats. All of them have to be activated.
9. Choose **ok**
10. Write the following program:

1. Programm Name: **Heat**

Cycles **1** Analysis Mode **None**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
37	None	00:15:00	4.40		0	0	0
95	None	00:15:00	4.40		0	0	0

2. Programm Name: **Ampli**

Cycles **30*-35** Analysis Mode **Quantification**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
95	None	00:00:15	4.40		0	0	0
63	Single	00:00:20	2.20		0	0	0

* for preenriched samples program 30 cycles

3. Programm Name : **Cool**

Cycles **1** Analysis Mode **None**

Target (°C)	Acquisition Mode	Hold (hh:mm:ss)	Ramp Rate (°C/s)	Acquisitions (per °C)	Sec Target (°C)	Step size (°C)	Step Delay (cycles)
40	None	00:00:20	2.20		0	0	0

Optional: Saving the program as **run template**. The template button allows to select and apply a template to the currently open object and to save the currently open object as a template. Click the clamp beside the button **Apply Template** . Click **Save as template** and save the file in **templates**.

11. Click the button **Subset editor** on the left side

12. Click the button **+** and **New Subset 1** appears

13. Mark the wells in the **New Subset 1 Settings** window

14. Click the button **Apply**

15. Click the button **Sample editor** on the left side

16. **Very important:** Activate In the window **Step 1 Select Workflow: Abs.Quant**

17. Choose the subset **New Subset** in the window **Step 2 Select Samples**

18. Define your probes in the **Sample table**

19. Switch to the button **Experiment** and start the run with the button **start run**

7. Evaluation

The evaluation has to be made according to the data analysis program recommended by the real-time instrument manufacturer.

For LC480: Activate Colour Compensation

The negative control (NTC, Tube 1) has to be negative in the FAM channel and positive in the HEX-channel (Inhibition Control). Is the Inhibition Control in the HEX-channel negative and/or the results in the FAM-channel positive, PCR has to be repeated.

The Inhibition Control (Tube 7) has to be positive in the HEX-channel. Is the Inhibition Control in the HEX-channel negative inhibitors or high amount of DNA are in the sample reaction.

The Positive Control (Tube 8) has to be positive in the HEX-channel. If it is negative, PCR has to be repeated.

PCR-Analysis:

please notice the orientation of the tubes. They are marked on the strip at Tube 1 with an A and at Tube 8 with an H

	Channels	Species	Signal
Tube 1	FAM HEX	NTC Inhibition Control	negative positive
Tube 2	FAM HEX	Rhodotorula spp. Saccharomyces exiguus	
Tube 3	FAM HEX	Candida spp. Saccharomyces cerevisiae var. diastaticus	
Tube 4	FAM HEX	Saccharomycodes ludwigii Debaromyces hansenii	
Tube 5	FAM HEX	Torulasporea delbrückii Saccharomyces bayanus / pastorianus	
Tube 6	FAM HEX	Kluyveromyces marxianus Hanseniaspora spp.	
Tube 7	FAM HEX	Dekkera spp. Inhibition Control	positive
Tube 8	FAM HEX	Pichia spp. PTC	positive

Example for interpretation:

If sample shows a positive FAM-signal in Tube 3, *Candida spp.* is identified. If the sample contains mixtures, you have positive signals in different channels.

Note:

The polymerase-chain reaction (PCR) is protected by patents and requires a licence from Hoffmann-LaRoche Inc.. The provided product does not authorise the purchaser for the commercial use of this method.

GEN-IAL makes no warranty of any kind, either expressed or implied, except that the materials from which its products are made are of standard quality. If any materials are defective, GEN-IAL will provide a replacement product. There is no warranty of merchantability of this product, or of the fitness of the product for any purpose. GEN-IAL shall not be liable for any damages, including special or consequential damage, or expense arising directly or indirectly from the use of this product.